

ISSN 2181-998X





# ТИББИЁТ ВА СПОРТ MEDICINE AND SPORT

тошкент

## **ЎЗБЕКИСТОН МИЛЛИЙ ОЛИМПИЯ ҚЎМИТАСИ**

2023/4

l ISSN 2181-998X

# РЕСПУБЛИКА СПОРТ ТИББИЁТИ ИЛМИЙ-АМАЛИЙ МАРКАЗИ

# ТИББИЁТ BA СПОРТ MEDICINE AND SPORT

#### www.sportmed.uz ISSN 2181-998X 2023/4

## ТАХРИР ХАЙЪАТИ Бош мухаррир

т.ф.н. К.К. Сирожитдинов

### Бош мухаррир ўринбосари

профессор И.Р. Мавлянов

#### Маъсул котиб

PhD, к.и.х. Н.Ш. Усмоналиева

## Тахрир аъзолари

проф. А.А. Ходжиметов, проф. А.Т. Бабаев, проф. А.Х. Аширметов, проф. Ж.А. Ризаев, проф. Р.С. Мухамедов, проф. Х.Я. Каримов т.ф.д. З.И. Мавлянов

### Тахрир кенгаши

Проф. Т.А. Абдуллаев (Ташкент)

Проф. А.Л. Аляви (Ташкент)

Проф. Т.У. Арипова (Ташкент)

Проф. И.А. Ахметов (Ливерпуль)

Проф. Ш.А. Боймурадов (Ташкент)

Проф. М.Р. Болтабаев (Ташкент)

Проф. Е.А. Гаврилова (С.Петербург)

Проф. Б.Г. Гафуров (Ташкент)

Проф. Б.Т. Даминов (Ташкент)

Проф. А.И. Икрамов (Ташкент)

Проф. В. Ираситано (Италия)

Проф. Р.Т. Камилова (Ташкент)

Проф. У.К. Камилова (Ташкент)

Проф. Г.М. Кориев (Ташкент)

Проф. Р.Д. Курбанов (Ташкент)

Проф. Д.К. Нажмутдинова (Ташкент)

Проф. Ф.Г. Назиров (Ташкент)

Проф. Б.А.Поляев (Москва)

Проф. Д.М. Сабиров (Ташкент)

Проф. Л.Н.Туйчиев (Ташкент)

Проф. Ф.И.Хамрабаева(Ташкент)

## СОДЕРЖАНИЕ

#### YANGI KONSTITUTSIYA – MAMLAKAT TARAQQIYOTINING KAFOLATI

| YANGI KONSTITUTSIYA – MAMLAKAT TARAQQIYOTINING KAFOLATI<br>Sirojitdinov K.K., Quvvatova Z. R.  | 6  |
|--|----|
| <b>ПОБЕДА НЕ ЛЮБОЙ ЦЕНОЙ, ПОБЕДА С СОХРАНЕНИЕМ ЗДОРОВЬЯ!</b><br>Таралева Т.А., Аблялимов Р.Т., Фотиев С.С., Мальков А.В.   | 8  |
| СПОРТИВНАЯ МЕДИЦИНА И СПОРТИВНАЯ ПСИХОЛОГИЯ  |    |
| ГЕНЕТИЧЕСКИ ДЕТЕРМИНИРОВАННЫЕ КЛИНИКО-БИОХИМИЧЕСКИЕ ИНДИКАТОРЫ ФИЗИЧЕСКОЙ РАБОТОСПОСОБНОСТИ У СПОРТСМЕНОК ЦИКЛИЧЕСКИХ ВИДОВ СПОРТА Рахимова Н.М., Мавлянов И.Р.                                    | 11 |
| <b>ВЛИЯНИЕ СПОРТИВНОЙ ДЕЯТЕЛЬНОСТИ НА СОСТОЯНИЕ ЗДОРОВЬЯ ПАРАЛИМПИЙЦЕВ</b><br>Турсунов Н.Б.  | 18 |
| ОЦЕНКА ТИПА ВЕГЕТАТИВНОЙ РЕГУЛЯЦИИ СПОРТСМЕНОВ, ЗАНИМАЮЩИХСЯ ВЕЛОСПОРТОМ<br>И АКАДЕМИЧЕСКОЙ ГРЕБЛЕЙ<br>Таралева Т.А., Мавлянов И.Р., Парпиев С.Р., Юлчиев С.Т.                                     | 24 |
| СПОСОБ ВЫБОРА АДЕКВАТНОГО ТРЕНИРОВОЧНОГО РЕЖИМА СПОРТСМЕНОВ ПО<br>НЕКОТОРЫМ ЦИКЛИЧЕСКИМ ВИДАМ СПОРТА НА ОСНОВЕ ГЕНЕТИЧЕСКИХ ПОКАЗАТЕЛЕЙ<br>Парпиев С.Р., Мавлянов И.Р., Юлчиев С.Т., Таралева Т.А. | 27 |
| <b>ОЦЕНКА КАЧЕСТВА ЖИЗНИ ДЗЮДОИСТОВ-ПАРАЛИМПИЙЦЕВ</b><br>Саттарова Д. Б.   | 31 |
| КЛИНИЧЕСКАЯ МЕДИЦИНА   |    |
| GASTRODUODENAL ZONA MIKROBIOSENOZI BUZILGAN REAKTİV ARTRITI BASALGAN<br>BASORLARDA QON LIPID PROFILINING XUSUSIYATLARI VA UNING TUZISH YO'LLARI<br>Азадаева К.Э., Тухтаева Н.Х., Каримов М.Ш.      | 34 |
| ВЛИЯНИЯ ГИДРОЛИЗАТОВ БЕЛКОВ НА ИЗМЕНЕНИЕ ПЕРЕВАРИВАЕМОСТИ КРАХМАЛА<br>В СОСТАВЕ КРАХМАЛЬНО-БЕЛКОВЫХ СУБСТРАТОВ<br>Касимова Д С., Алейник В.А., Бабич С.М., Хамракулов Ш.Х.                         | 39 |
| <b>ХИРУРГИЧЕСКАЯ КОРРЕКЦИЯ ВОРОНКООБРАЗНОЙ ДЕФОРМАЦИИ ГРУДНОЙ КЛЕТКИ</b><br>Хаялиев Р.Я., Маркушин В.А., Рахимий Ш.У.  | 43 |
| <b>РОЛЬ ДИСБИОЗА КИШЕЧНОЙ МИКРОБИОТЫ В ПАТОГЕНЕЗЕ ПОДАГРЫ</b><br>Ширанова Ш.А.   | 52 |
| ФАКТОРЫ ВЛИЯНИЯ НА ИЗМЕНЕНИЕ ПЕРЕВАРИВАЕМОСТИ КРАХМАЛА ПРИ ВЗАИМОДЕЙСТВИИ С БЕЛКАМИ В СОСТАВЕ КРАХМАЛЬНО-БЕЛКОВЫХ СУБСТРАТОВ Касимова Д.С., Алейник В.А., Бабич С.М., Хамракулов Ш.Х.              | 56 |
| АНАЛИЗ КАЧЕСТВА ЖИЗНИ СОМАТИЧЕСКИХ ПАЦИЕНТОВ С КОМОРБИДНЫМИ ПСИХИЧЕСКИМИ РАССТРОЙСТВАМИ Магзумова Ш.Ш., Мухамадиева Н.Б.   | 60 |
| ПСОРИАТИК АРТРИТДА ЖИГАР НОАЛКОГОЛ ЁҒЛИ КАСАЛЛИГИ МАВЖУД БЕМОРЛАРНИ<br>КОМПЛЕКС ДАВОЛАШ САМАРАДОРЛИГИ<br>Мухсимова Н.Р.  | 63 |
| <b>ЭТИОЛОГИЯ И ФАКТОРЫ РИСКА РЕПРОДУКТИВНЫХ ПОТЕРЬ У ЖЕНЩИН ПРИ ТОКСН-ИНФЕКЦИИ</b><br>Насриддинова К.П., Якубова О.А.  | 66 |
| ATOPIK DERMATIT VA OSHQOZON ICHAK KASALLIKLARI<br>Mirraximova M.X., Nishonboeva N.Yu.  | 69 |

#### РОЛЬ ДИСБИОЗА КИШЕЧНОЙ МИКРОБИОТЫ В ПАТОГЕНЕЗЕ ПОДАГРЫ

(систематический обзор)

Ширанова Ш.А.

Ташкентская медицинская академия, Узбекистан.

#### ICHAK MIKROBIOTA DISBIOZINING PODAGRA PATOGENEZIDAGI ROLI

(tizimli tahlil)

Shiranova Sh.A.

Toshkent tibbiyot akademiyasi, Oʻzbekiston.

#### THE ROLE OF INTESTINAL MICROBIOTA DYSBIOSIS IN THE PATHOGENESIS OF GOUT

(systematic review)

Shiranova Sh.A.

Tashkent Medical Academy, Uzbekistan.

**Резюме:** Статья посвящена роли дисбактериоза кишечной микробиоты нескольких механизмов, участвующих в патогенезе подагры. Представлены современные данные о значение микробиот таких как энтеробактерии в патогенезе подагры. Опысаны особенности диагностики в кишечнике ацетат, пропионат и бутират в подагре.

Ключевые слова: подагра, кишечная микробиота, дисбактериоз, гиперурикемия

**Rezyume.** Maqola podagra patogenezida ishtirok etadigan bir qancha mexanizmlarning ichak mikrobiotasi disbiyozining roliga bag'ishlangan. Gut patogenezida enterobakteriyalar kabi mikrobiotalarning ahamiyati haqida zamonaviy ma'lumotlar keltirilgan. Podagrada asetat, propionat va butiratning ichakdagi diagnostika xususiyatlari tasvirlangan.

Kalit so'zlar: podagra, ichak mikrobiotasi, disbiyoz, giperurikemiya

**Summary.** The article is devoted to the role of dysbiosis of the intestinal microbiota of several mechanisms involved in the pathogenesis of gout. Modern data on the importance of microbiota such as enterobacteria in the pathogenesis of gout are presented. The features of diagnostics in the intestines of acetate, propionate and butyrate in gout are described.

*Key words:* gout, intestinal microbiota, dysbiosis, hyperuricemia.

Актуальность. Подагра - распространенное заболевание, характеризующееся отложением кристаллов моноурата натрия (МУН) в суставных и несуставных структурах (Dalbeth et al., 2021). Воспалительная реакция ткани хозяина на отложение кристаллов моноурата натрия (МУН) вызывает клинические симптомы (Dalbeth et al., 2019). Во всем мире подагра широко распространена. Уровень распространенности подагры среди взрослых в Китае составляет 1,1% по сравнению с 3-4% в США и 1-4% в Европе (Dehlin et al., 2020). Генетическое разнообразие, воздействие окружающей среды, взаимодействие генов и окружающей среды и внутренние факторы риска (включая возраст, пол и вес) увеличивают риск развития подагры (Major et al., 2018). Кроме того, подагра и гиперурикемия имеют много общих сопутствующих заболеваний, таких как сердечно-сосудистые заболевания, хронические заболевания почек, диабет, метаболический синдром и нейродегенеративные заболевания (Bardin and Richette, 2017).

Пищеварительная система человека содержит триллионы видов, включая бактерии, грибы, археи, вирусы и простейшие, которые составляют кишечную микробиоту, сложное экологическое сообщество (Проект микробиома человека, 2012). Таксономическое разнообразие кишечной микробиоты влияет целостность эпителиального барьера, сохранение кишечного метаболизма И иммунологический гомеостаз (Parker et al., 2020). Микробиота кишечника влияет на здоровую физиологическую функцию восприимчивость к заболеваниям благодаря своей коллективной метаболической активности и взаимодействию с хозяином (Lozupone et al., 2012). С развитием технологий секвенирования и созданием новой биоинформатики было обнаружено, что изменения состава кишечной микробиоты и нарушения метаболизма связаны с патогенезом многочисленных заболеваний, таких как аутоиммунные заболевания (Jiao et al., 2020), психические заболевания (Jarbrink-Sehgal and Andreasson, 2020), цереброваскулярные заболевания (Xu et al., 2020) и нарушения центральной нервной системы (Vuotto et al., 2020).

Кишечная микробиота относится к сообществу микроорганизмов, обитающих в кишечнике человека. Кишечная микробиота играет решающую роль в физиологических функциях желудочно-кишечного тракта, таких как переваривание пищи, антимикробная защита и метаболизм (2,10–13).В нескольких исследованиях по метаболомике и метагеномике описана связь между дисбиозом кишечника и подагрой, чтобы провести различие между пациентами с подагрой и здоровыми людьми и дать новое представление о лечении заболевания[8,11].

XУА ассоциируется с нарушением метаболизма пуринов и снижением экскреции МКА. У здорового человека около 70% экскреции МК происходит почками, тогда как остальная часть выводится через кишечник и метаболизируется кишечной микробиотой. Несколько исследований показали, что кишечная микробиота и их метаболиты вносят вклад в метаболизм пуринов и МКА (10,14). Однако на сегодняшний день механизмы, связывающие метаболизм пуринов хозяина и МКА с кишечной микробиотой, полностью не определены. Поэтому недавние исследования были сосредоточены на участии кишечной микробиоты в гиперурикемии, чтобы раскрыть опосредующие механизмы, связывающие дисбактериоз кишечника с подагрой [1, 2, 7, 15].

Некоторые исследования показали, что у пациентов

с подагрой значительно увеличивается количество бактероидов, в то время как количество фекалибактерий снижается. Эти изменения в составе кишечной микробиоты являются отличительным признаком заболевания подагрой и могут ускорить прогрессирование заболевания [1,11]. Другое исследование показало, что дисбактериоз кишечника может изменять кишечный иммунитет и увеличивать проникновение бактерий в системный кровоток, тем самым вызывая системную воспалительную реакцию и усугубляя заболевание подагрой [16, 17]. Более того, исследования показали, что кишечная микробиота является важной мишенью для лечения ВУА за счет усиления катаболизма пуринов и МК, увеличения экскреции МК и модуляции воспалительной реакции кишечника [8, 15, 18].

Подагра связана с повышением уровня мочевой кислоты в крови, что называется гиперурикемией. В патогенезе гиперурикемии задействовано множество механизмов, одним из которых является дисбактериоз кишечника. Накопленные данные показывают, что метаболизм пуринов играет ключевую роль при подагре, расщепляя пурин до мочевины или мочевой кислоты (1). У пациентов с подагрой пурин в основном разлагается до мочевой кислоты, вызывая гиперурикемию (10). Ксантиндегидрогеназа расщепляет пурин до мочевой кислоты, которая высоко экспрессируется у пациентов с подагрой, что приводит к гиперурикемии. Повышенное содержание алистипов при АГ и его возможное влияние на метаболизм пуринов, гипотетически, может усиливать регуляцию ксантиндегидрогеназы. Следовательно, алистипес может быть вовлечен в патогенез подагры [1, 24]. Стоит отметить, что Enterobacteriaceae действует подобно аллантоиназе, ферменту пуринового метаболизма, который расщепляет мочевую кислоту до мочевины [1, 26]. У пациентов, получающих лечение, повышается регуляция аллантоиназы, а у пациентов с подагрой - снижается. Снижение численности энтеробактерий у пациентов с подагрой предполагает связь между Enterobacteriaceae и аллантоиназой. Возможно, изменения в составе микроорганизмов могут изменять уровни ферментов, тем самым облегчая или усугубляя подагру. Более того, Phascolarctobacterium и Bacteroides имели более высокую численность у пациентов с подагрой и превращали ураты в аллантоин. Предполагается, что Phascolarctobacterium и Bacteroides вовлечены в развитие подагры посредством модуляции ферментов [14, 27].

Ацетат, пропионат и бутират - это короткоцепочечные жирные кислоты (SCFA), обладающие существенными преимуществами для здоровья (28). Бутират обладает защитными свойствами против подагры посредством многочисленных механизмов. Бактерии, продуцирующие prausnitzii. бутират, такие как Faecalibacterium Oscillibacter и Butyricicoccus, повышены в контрольной группе по сравнению с пациентами с подагрой, что указывает на возможную роль SCFA в развитии подагры [1, 14]. SCFA, особенно бутират, поддерживают стабильность и целостность эпителиального барьера, регулируя экспрессию белков плотного соединения (ТЈР), таких как клаудин-1 и Zonula Occludens-1 (ZO-1) (29-31). SCFA, в частности бутират, обладают противовоспалительными функциями, снижая уровень воспалительных цитокинов, таких как IL-1β, IL-6 и IL-8, или оказывая прямое противовоспалительное действие (рисунок 2) [31-33]. Кроме того, бутират является источником энергии для клеток, стимулирует пролиферацию здоровых клеток и способствует восстановлению ворсинок кишечника [1, 31, 34].

На уровне рода Bifidobacterium показали снижение численности у пациентов с подагрой [1, 8, 24, 35]. Мы уже знаем, что бифидобактерии выполняют несколько защитных функций, таких как усиление иммунного ответа, выполнение функций биологического барьера [24, 36, 37], предотвращение старения и улучшение функциональности желудочно-кишечного тракта [8, 38]. Кроме того, бифидобактерии могут вырабатывать масляную кислоту, которая оказывает множество Кроме того, бифидобактерии могут эффектов. облегчить запор и предотвратить рост патогенов [24]. Одновременное присутствие бифидобактерий и бактерий, продуцирующих бутират, может ослабить воспаление и улучшить функцию кишечного барьера [14].

высокая распространенность Bacteroides [1, 7, 14–16], видов Bacteroides сассае и видов Bacteroides xylanisolvens [1], родов Prevotella и видов Prevotella intermedia [3, 5] у пациентов с подагрой [24] подтверждает их роль в развитии подагры посредством биосинтеза ЛПС или липидов. А. ЛПС является стимулятором врожденной иммунной системы. ЛПС, продуцируемые некоторыми видами, могут переноситься в цитоплазму индуцируемыми интерфероном ГТФазами. Гексаацилированный липидный компонент А ЛПС присоединяется к каспазе 4, каспазе 5, каспазе 11 и неканонической инфламмасоме NLRP3 и активирует их [39]. Структура ЛПС важна для активации иммунной системы, а это означает, что только некоторые ЛПС могут индуцировать воспалительную реакцию (40). Активация иммунитета зависит от типа ацильных цепей в LPS [4]. Prevotella и Bacteroides обычно генерируют LPS с 4 или 5 ацильными цепями. Кроме того, они содержат две фосфатные группы (4, 41, 42], в то время как ЛПС, вырабатываемые Enterobacteriaceae, имеют шесть ацильных цепей и одну фосфатную группу [4, 41]. LPSS, продуцируемые бактероидами, не могут индуцировать выработку цитокинов. Напротив, ЛПС, продуцируемый E. coli, может сильно провоцировать выработку различных цитокинов, таких как IL-10, TNF-α, IL-1β и IL-6 [43]. На уровне типа протеобактерии показали противоречивые результаты. В двух исследованиях (3, 4) его количество уменьшилось, а в одном исследовании [14] увеличилось. Это был наиболее распространенный тип дисбактериоза у пациентов с подагрой, а также у здоровых лиц контрольной группы [3]. Некоторые виды протеобактерий, особенно *E.coli*, могут вырабатывать ЛПС, который активирует иммунный ответ [4]. Протеобактерии снижают регуляцию уратоксидазы, но увеличивают способность к фиксации азота при подагре [14], что может быть результатом действия некоторых видов, отличных от E.coli.

Выводы. Микробиота тесно связана c воспалительными заболеваниями, такими как подагра, посредством многих механизмов. Некоторые противоречивые результаты не позволяют определить роль некоторых специальных бактериальных таксонов. Не было четких доказательств того, какие бактерии обладают большей защитной способностью. Изучение роли дисбиоза кишечника при подагре и лежащих в ее основе механизмов может помочь в разработке методов лечения подагры, модулирующих микробиоту. Причиной этих разногласий могли быть различные схемы и методологии исследований. Как правило, исследования отличались критериями отбора, размером выборки, диагностическими инструментами,

методами микробиоты и биохимического анализа, что может служить основанием для разногласий. Необходимы дальнейшие исследования для улучшения состояния при подагре с помощью терапии, основанной на модуляции микробиоты.

#### Используемая литература:

- 1. Бянь М., Ван Дж., Ван И, Не А, Чжу С, Сун Ц. и др. Цикорий улучшает гиперурикемию за счет модуляции кишечной микробиоты и ослабления активности оси LPS / TLR4 у перепелов. Биомедицинская фармакотерапия. (2020) 131:110719. doi: 10.1016/j.biopha.2020.110719
- 2. Ван Дж., Чен У., Чжун Х., Чен Ф., Ригенштейн Дж., Ху Х. и др. Кишечная микробиота как мишень для контроля патогенеза гиперурикемии: потенциальные механизмы и терапевтические стратегии. Критика пищевой науки Nutri. (2021) 3:1–11. doi: 10.1080/10408398.2021.1874287
- 3. Ван Л., Фанг З.Р., Шен Ю.Т., Лю Ю.Б., Лю Л.Л. Влияние Clostridium butyricum на уровень мочевой кислоты в сыворотке крови и 18 медиаторов воспаления у крыс с гиперурикемией. Нань Фан и ке да сюэ сюэ бао Дж. Южный медицинский университет. (2017) 37:678-82. doi: 10.3969/j.issn.1673-4254.2017.05.19
- 4. Ван Х.Б., Ван Пи, Ван Х, Ван Ил, Лю Ю.К. Бутират усиливает барьерную функцию кишечного эпителия за счет усиления регуляции транскрипции белка плотного соединения Клаудина-1. Дис.... канд. биол. наук (2012) 57:3126-35. doi: 10.1007/s10620-012-2259-4
- 5. Ватанен Т., Костич А.Д., д'Хеннезель Е., Сильяндер Х., Францоза Е.А., Ясур М. и др. Изменение иммуногенности микробиома ЛПС способствует развитию аутоиммунитета у людей. Cell. (2016) 165:842-53. doi: 10.1016/j.cell.2016.04.007
- 6. Гадими Д., Хассан М.Ф., Фельстер-Хольст Р., Реккен С., Эбсен М., де Врезе М. и др. Регуляция взаимодействия гепсидина и железо-сигнального пути комменсальными бифидобактериями играет важную роль в ингибировании биомаркеров, связанных с метафловоспалением. Иммунобиология. (2020) 225:151874. doi: 10.1016/j.imbio.2019.11.009
- 7. Го 3., Чжан Дж., Ван 3., Анг КИ, Хуан С., Хоу Кью и др. Кишечная микробиота отличает пациентов с подагрой от здоровых людей. Sci Rep. (2016) 6:20602. doi: 10.1038/srep20602
- 8. Далбет Н., Чой Х. ЛАБОРАТОРИЯ Джустена, Ханна П.П., Мацуо Х., Перес-Руис Ф., Стэмп Л.К. Gout Nat Rev Изучает праймеры. (2019) 5:69. doi: 10.1038/s41572-019-0115- y
- 9. Дессейн П., Шиптон Е., Стэнвикс А., Джоффе Б., Рамокгади Дж. Благотворное влияние снижения веса, связанного с умеренным ограничением калорий / углеводов, и пропорционального увеличения потребления белка и ненасыщенных жиров, на уровни уратов и липопротеинов в сыворотке крови при подагре: пилотное исследование. Ann Rheum Dis. (2000) 59:539-43. doi: 10.1136/ard.59.7.539
- 10. Кани П.Д., Бибилони Р., Кнауф С., Вагет А., Нейринк А.М., Делзенн Н.М. и др. Изменения в кишечной микробиоте контролируют воспаление, вызванное метаболической эндотоксемией, при ожирении, вызванном диетой с высоким содержанием жиров, и диабете у мышей. Диабет. (2008) 57:1470-81. doi: 10.2337/db07-1403
- 11. Кассотта М., Форбс-Эрнандес Т., Кальдерон Иглесиас Р., Руис Р., Элекспуру Забалета М., Джампьери

- Ф. и др. Связи между питанием, инфекционными заболеваниями и микробиотой: новые технологии и возможности для исследований, ориентированных на человека. Питательные вещества. (2020) 12:1827. doi: 10.3390/nu12061827
- 12. Лв Q, Сюй D, Чжан X, Ян X, Чжао Р, Цуй X и др. Связь гиперурикемии с иммунными нарушениями и дисфункцией кишечного барьера. Front Physiol. (2020) 11:4236. doi: 10.3389/fphys.2020.524236
- 13. Лим МИ, Ро М., Сон Ю.М., Ли К., Сон Дж., Ко Г. Стабильность энтеротипов кишечника у корейских монозиготных близнецов и их связь с биомаркерами и рационом питания. Sci Rep. (2014) 4:1-7. doi: 10.1038/srep07348
- 14. Лин С., Чжан Т., Чжу Л., Панг К., Лу С., Ляо X. и др. Характерный дисбактериоз при подагре и влияние лечения, снижающего уровень мочевой кислоты, фебуксостатом на кишечную микробиоту. J Agric Food Chem. (2021) 3:9. doi: 10.1016/j.jgg.2021.06.009
- 15. Лю Дж., Цуй Л., Янь Х.М., Чжао Си., Чэн Дж. Л., Чжоу Л. и др. Анализ микробиоты полости рта выявил высокое содержание prevotella intermedia у пациентов с подагрой. Клеточная физиология и биохим. (2018) 49:1804—12. doi: 10.1159/000493626
- 16. Лю X, Л.В. Q, Рен X, Гао Л, Чжао П, Ян X и др. Измененная кишечная микробиота крыс с гиперурикемией, вызванной высоким содержанием пуринов, и ее корреляция с гиперурикемией. Реег J. (2020) 8:e8664. doi: 10.7717/peerj.8664
- 17. Ма Л.Л., Ван Г.Ю., Ян Ж., Хуан Д., Вэн Х., Цзэн Х.Т. Методологические инструменты оценки качества (риск предвзятости) для первичных и вторичных медицинских исследований: каковы они и что лучше? Milit Med Res. (2020) 7:1-11. doi: 10.1186 /s40779-020-00238-8
- 18. Ман С. М. Инфламмасомы в желудочнокишечном тракте: инфекция, рак и гомеостаз кишечной микробиоты. Натуральный гастроэнтерол Гепатол. (2018) 15:721-37. doi: 10.1038/s41575-018-0054-1
- 19. Моррисон Д.Дж., Престон Т. Образование короткоцепочечных жирных кислот кишечной микробиотой и их влияние на метаболизм человека. Кишечные микробы. (2016) 7:189–200. doi: 10.1080/19490976.2015.1134082
- 20. Мохер Д., Шамсир Л., Кларк М., Герси Д., Либерати А., Петтикрю М. и др. Предпочтительные пункты отчетности для протокола систематического обзора и мета-анализа (PRISMA-P) за 2015 год. Syst Rev. (2015) 4:1-9. doi: 10.1186/2046-4053-4-1
- 21. Неоги Т., Янсен Т.Л., Далбет Н., Франсен Дж., Шумахер Х.Р., Берендсен Д. и др. Критерии классификации подагры 2015: совместная инициатива Американского колледжа ревматологии / Европейской лиги борьбы с ревматизмом. Артрит Ревматол. (2015) 67:2557-68. doi: 10.1002/art.39254
- 22. Нин У, Ян Г.М., Чэнь Ю.К., Чжао Х, Цянь Хи, Лю У и др. Характеристики микробиома мочи у пациентов с подагрой: проспективное исследование. Фронт эндокринола. (2020) 11. doi: 10.3389/fendo.2020.00272
- 23. Пан Л.Б., Хан П., Ма С.Р., Пэн Р., Ван К., Конг В.Дж. и др. Аномальный метаболизм кишечной микробиоты раскрывает возможный молекулярный механизм нефропатии, вызванной гиперурикемией. Асta Pharmaceutica Sinica B. (2020) 10:249-61. doi: 10.1016/j. apsb.2019.10.007
- 24. Петерсон Дж., Уэлч В., Лосос М., Тагвелл П. Шкала Ньюкасла-Оттавы (NOS) для оценки качества

- нерандомизированных исследований в метаанализах. Оттава: Научно-исследовательский институт больницы Оттавы (2011) 2:1-12.
- 25. Робинсон, ПК. Подагра обновление этиологии, генетики, сопутствующих заболеваний и ведения. Maturitas. (2018) 118:67-73. doi: 10.1016/j. maturitas.2018.10.012
- 26. Сюй ДХ, Л.В. КЛ, Ван ХФ, Цуй ХН, Чжао П., Ян ХМ и др. Гиперурикемия связана с нарушением проницаемости кишечника у мышей. Я.М. Физиология желудка и печени. (2019) 317:G484—G92. doi: 10.1152/ajpgi.00151.2019
- 27. Уитфилд С., Трент М. Биосинтез и экспорт бактериальных липополисахаридов. Annu Rev. Biochem. (2014) 83:99-128. doi: 10.1146/annurev-biochem-060713-035600
- 28. Фогельс Г.В., Ван дер Дрифт С. Деградация пуринов и пиримидинов микроорганизмами. Bacteriol Rev. (1976) 40:403-68. doi: 10.1128/br.40.2.403-468.1976
- 29. Фоссати Г., Янсен Т., Динарелло С., Нетеа М., Джостен Л., Клеофас М.К. и др. Механизмы аутовоспаления и мишени терапии при подагре. Университет Радбуда в Неймегене (2016) 75:179.
- 30. Фукуда С., Тох Х., Хасе К., Осима К., Наканиши Ю., Йошимура К. и др. Бифидобактерии могут защищать от энтеропатогенной инфекции путем выработки ацетата. Природа. (2011) 469:543-7. doi: 10.1038/nature09646
- 31. Хенсон М.А. Исследование нарушенной кишечной микробиоты у пациентов с подагрическим артритом с помощью in silico метаболического моделирования. Биопленки NPJ Microbiomes. (2021) 21:489–501. doi: 10.1002/elsc.202100003
- 32. Хойманс К.Р., Роверс М.М., де Фриз Р., Линарс М., Рицкес-Хойтинга М., Лангендам М.В. Инструмент SYRCLE "Риск предвзятости" для исследований на животных. ВМС Med Res Methodol. (2014) 14:1–9. doi: 10.1186/1471-2288-14-43
- 33. Хофстад Т., Свен К., Дален Г. Химический состав, серологическая реактивность и эндотоксичность липополисахаридов, экстрагированных различными способами из Bacteroides fragilis, Bacteroides melaninogenicus и Bacteroides oralis. Acta Pathol Microbiol Scandinavica Раздел В Microbiol. (1977) 85:262-70. doi: 10.1111/j.1699-0463.1977.tb01972.x
- 34. Чу У, Сун С, Хуан У, Гао Кью, Се Х, Ван П и др. Метагеномный анализ выявил потенциальную роль кишечного микробиома в развитии подагры. npj Создает биопленки микробиомов. (2021) 7:2. doi: 10.1038/s41522-021-00235-2
- 35. Чу У, Хуан У, Хуан Кью, Се Х, Ван П, Ли Дж и др. Метагеномное исследование выявило потенциальную роль кишечного микробиома при подагре. medRxiv. (2019) 4:4142. doi: 10.1101/2019.12.21.19014142

- 36. Шао Т.Дж., Шао Л., Ли Х.К., Се Ж.Дж., Хэ Ж.Х., Вэнь К.П. Комбинированная характеристика фекального микробиома и метаболома у пациентов с подагрой. Front Microbiol. (2017) 8:268. doi: 10.3389/fmicb.2017.00268
- 37. Ширвани-Рад С., Эджтахед Х.С., Эттехад Марвасти Ф., Тагави М., Шарифи Ф., Арзаги С.М. и др. Роль оси кишечная микробиота-мозг в патофизиологии СДВГ: систематический обзор. J Atten Disorder. (2022) 3:10870547211073474. doi: 10.1177/10870547211073474
- 38. Эджтахед Х.С., Овейсси В., Табатабаи-Малази О., Ширвани Рад С., Рази Ф., Лариджани Б. Анализ научных продуктов о микробиоте и COVID-19: наукометрическое исследование. J Mazandaran Univ Med Sci. (2021) 31:200-11.
- 39. Ю Д., Нгуен С.М., Ян У, Сюй У., Цай Х, Ву Дж. и др. Качество питания в долгосрочной перспективе связано с разнообразием и составом кишечного микробиома среди взрослых жителей городских районов Китая. Ат J Clin Nutr. (2021) 113:684-94. doi: 10.1093/ajcn/nqaa350
- 40. Ю Ю.Р., Лю К.П., Ли Х.К., Вэнь К.П., Хэ 3.Х. Изменения кишечного микробиома, связанные с лечением гиперурикемии у крыс-самцов. Front Microbiol. (2018) 9:2233. doi: 10.3389/fmicb.2018.02233
- 41. Ян Х.Т., Сю В.Дж., Лю Дж. К., Ян У., Хоу Х. Г., Чжэн Ю.Ю. и др. Характеристика кишечной микробиоты у пациентов с бессимптомной гиперурикемией: увеличение количества пробиотиков. Биоинженерия. (2021) 12:7263–75. doi: 10.1080/21655979.2021.1976897
- 42. Den Besten G, Van Eunen K, Groen AK, Venema K, Reijngoud D-J, Bakker BM. Роль короткоцепочечных жирных кислот во взаимодействии между питанием, кишечной микробиотой и энергетическим метаболизмом организма-хозяина. J Lipid Res . (2013) 54:2325-40. doi: 10.1194/jlr.R036012
- 43. Herath TD, Wang Y, Seneviratne CJ, Lu Q, Darveau R. P., Wang CY и др. гетерогенность липополисахаридов липид А дифференциально модулирует экспрессию IL-6 и IL-8 в фибробластах десен человека. J Clin Periodontol. (2011) 38:694-701. doi: 10.1111/j.1600-051X.2011.01741.x
- 44. Méndez-Salazar EO, Vázquez-Mellado J, Casimiro-Soriguer CS, Dopazo J, Çubuk C, Zamudio-Cuevas Y, et al. Таксономические различия в кишечном микробиоме пациентов с подагрой с тофусами и без них могут оказывать функциональное влияние на метаболизм уратов. Mol Med. (2021) 27:50. doi: 10.1186/s10020-021-00311-5
- 45. Xing SC, Meng DM, Chen Y, Jiang G, Liu XS Li N и др. Исследование разнообразия бактероидов и клостридий у пациентов с первичной подагрой. Клеточная биохимия. (2015) 71:707-15. doi: 10.1007/s12013-014-0253-5